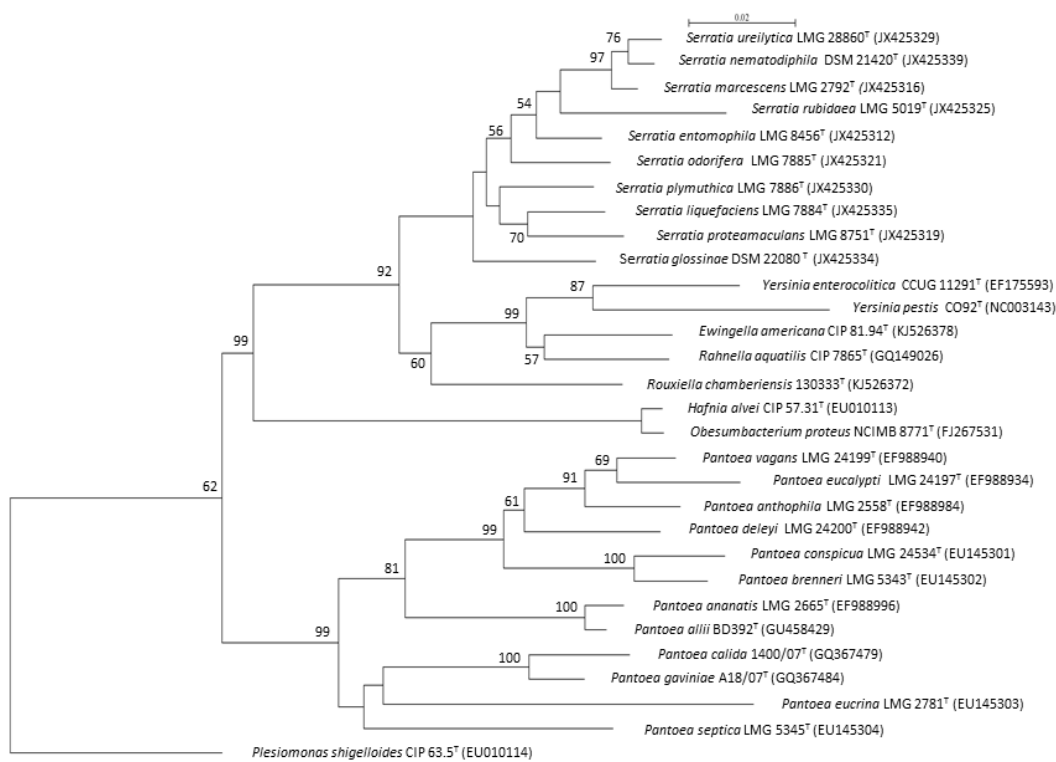


1 ***Rouxiella chamberiensis* gen. nov., sp. nov.,**  
 2 **a new *Enterobacteriaceae* isolated from parenteral nutrition bags**

3  
 4 Anne Le Flèche-Matéos<sup>1</sup>, Marion Levast<sup>2</sup>, Fabienne Lomppez<sup>1</sup>, Yolande Arnoux<sup>1</sup>, Clément Andonian<sup>2</sup>,  
 5 Michel Perraud<sup>3</sup>, Véronique Vincent<sup>1</sup>, Meriadeg Ar Gouilh<sup>1</sup>, Jean-Michel Thiberge<sup>1</sup>, Mathias  
 6 Vandenbogaert<sup>1</sup>, Laure Diancourt<sup>1</sup>, Valérie Caro<sup>1</sup>, Ana Maria Burguière<sup>1</sup>, Jean-Claude Manuguerra<sup>1</sup>

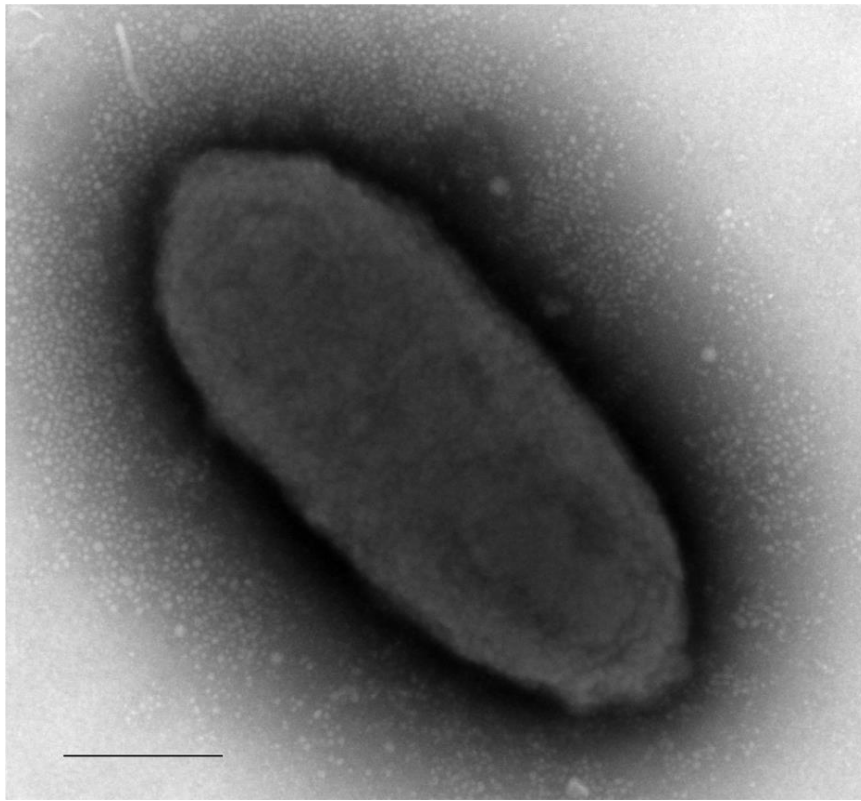
7  
 8  
 9 **Supplementary data:**

10  
 11 **Fig. S1.** Neighbour-joining tree based on *rpoB* gene sequences. Bootstrap values >50%  
 12 (based on 1000 replicates) are given at branching points. GenBank accession numbers are  
 13 given in parentheses. The distance scale indicates the proportion of substitutions per  
 14 nucleotide position.  
 15



16  
 17  
 18  
 19  
 20  
 21  
 22  
 23

24 **Fig. S2.** Transmission electron microscopy of *Rouxiella chamberiensis* 130333<sup>T</sup>. Negative  
 25 stain. Bar = 0.5  $\mu$ m.  
 26



27  
 28  
 29  
 30

**Table S1.** Square table with *rrs* distances (proportions of nucleotide substitution).  
 Numerals given in the first line correspond to species listed in the first column.

1. <i>Ewingella americana</i>	0.0000	0.0208	0.0370	0.0364	0.0362	0.0266	0.0409	0.0460	0.0483	0.0521	0.0491	0.0438	0.0647	0.0415	0.0319	0.0415	0.0606
2. <i>Rahnella aquatilis</i>	0.0208	0.0000	0.0274	0.0416	0.0415	0.0318	0.0493	0.0520	0.0544	0.0583	0.0552	0.0499	0.0655	0.0498	0.0431	0.0468	0.0538
3. <i>Yersinia enterocolitica</i>	0.0370	0.0274	0.0000	0.0356	0.0399	0.0437	0.0546	0.0535	0.0574	0.0628	0.0567	0.0552	0.0593	0.0506	0.0491	0.0482	0.0560
4. <i>Hafnia alvei</i>	0.0364	0.0416	0.0356	0.0000	0.0028	0.0245	0.0358	0.0341	0.0379	0.0462	0.0372	0.0312	0.0541	0.0409	0.0410	0.0379	0.0624
5. <i>Obesumbacterium proteus</i>	0.0362	0.0415	0.0399	0.0028	0.0000	0.0237	0.0387	0.0385	0.0408	0.0468	0.0400	0.0311	0.0570	0.0423	0.0423	0.0392	0.0645
6. <i>Rouxiella chamberiensis</i>	0.0266	0.0318	0.0437	0.0245	0.0237	0.0000	0.0372	0.0377	0.0341	0.0401	0.0348	0.0297	0.0539	0.0393	0.0341	0.0340	0.0568
7. <i>Kluyvera ascorbata</i>	0.0409	0.0493	0.0546	0.0358	0.0387	0.0372	0.0000	0.0136	0.0209	0.0246	0.0180	0.0239	0.0396	0.0238	0.0306	0.0312	0.0540
8. <i>Citrobacter freundii</i>	0.0460	0.0520	0.0535	0.0341	0.0385	0.0377	0.0136	0.0000	0.0121	0.0201	0.0136	0.0238	0.0432	0.0223	0.0312	0.0274	0.0431
9. <i>Pantoea agglomerans</i>	0.0483	0.0544	0.0574	0.0379	0.0408	0.0341	0.0209	0.0121	0.0000	0.0078	0.0043	0.0209	0.0410	0.0201	0.0334	0.0267	0.0402
10. <i>Enterobacter cloacae</i>	0.0521	0.0583	0.0628	0.0462	0.0468	0.0401	0.0246	0.0201	0.0078	0.0000	0.0122	0.0275	0.0380	0.0136	0.0342	0.0289	0.0365
11. <i>Leclercia adecarboxylata</i>	0.0491	0.0552	0.0567	0.0372	0.0400	0.0348	0.0180	0.0136	0.0043	0.0122	0.0000	0.0194	0.0387	0.0216	0.0334	0.0282	0.0439
12. <i>Buttiauxella agrestis</i>	0.0438	0.0499	0.0552	0.0312	0.0311	0.0297	0.0239	0.0238	0.0209	0.0275	0.0194	0.0000	0.0403	0.0319	0.0312	0.0326	0.0531
13. <i>Erwinia amylovora</i>	0.0647	0.0655	0.0593	0.0541	0.0570	0.0539	0.0396	0.0432	0.0410	0.0380	0.0387	0.0403	0.0000	0.0387	0.0464	0.0539	0.0464
14. <i>Klebsiella pneumoniae</i>	0.0415	0.0498	0.0506	0.0409	0.0423	0.0393	0.0238	0.0223	0.0201	0.0136	0.0216	0.0319	0.0387	0.0000	0.0282	0.0230	0.0439
15. <i>Pectobacterium carotovorum</i>	0.0319	0.0431	0.0491	0.0410	0.0423	0.0341	0.0306	0.0312	0.0334	0.0342	0.0334	0.0312	0.0464	0.0282	0.0000	0.0312	0.0539
16. <i>Serratia marcescens</i>	0.0415	0.0468	0.0482	0.0379	0.0392	0.0340	0.0312	0.0274	0.0267	0.0289	0.0282	0.0326	0.0539	0.0230	0.0312	0.0000	0.0461
17. <i>Escherichia coli</i>	0.0606	0.0538	0.0560	0.0624	0.0645	0.0568	0.0540	0.0431	0.0402	0.0365	0.0439	0.0531	0.0464	0.0439	0.0539	0.0461	0.0000

31  
 32  
 33  
 34

**Table S2.** Square table with MLSA distances (proportions of nucleotide substitution).  
 Numerals given in the first line correspond to species listed in the first column.

1. <i>Pantoea agglomerans</i>	0.0000	0.0927	0.1095	0.1106	0.1083	0.1163	0.1017	0.1147	0.1119	0.1073	0.1073	0.1085	0.1017	0.1079	0.0894	0.1297	0.1332
2. <i>Erwinia amylovora</i>	0.0927	0.0000	0.1050	0.1066	0.1123	0.1112	0.1079	0.1102	0.0983	0.0983	0.0978	0.0955	0.1006	0.0955	0.1187	0.1204	0.1204
3. <i>Pectobacterium carotovorum</i>	0.1095	0.1050	0.0000	0.1016	0.1055	0.1016	0.1068	0.0972	0.0894	0.0905	0.0878	0.0889	0.0807	0.0889	0.1051	0.1023	0.1222
4. <i>Rahnella aquatilis</i>	0.1106	0.1066	0.1016	0.0000	0.0397	0.0735	0.0639	0.0714	0.1051	0.1028	0.1073	0.1079	0.1000	0.1006	0.0889	0.1141	0.1291
5. <i>Ewingella americana</i>	0.1083	0.1123	0.1055	0.0397	0.0000	0.0795	0.0671	0.0768	0.1107	0.1073	0.1147	0.1130	0.1045	0.1090	0.0972	0.1147	0.1274
6. <i>Yersinia enterocolitica</i>	0.1163	0.1112	0.1016	0.0735	0.0795	0.0000	0.0911	0.0768	0.1170	0.1147	0.1102	0.1164	0.1073	0.1153	0.1028	0.1170	0.1256
7. <i>Rouxiella chamberiensis</i>	0.1017	0.1079	0.1068	0.0639	0.0671	0.0911	0.0000	0.0796	0.1051	0.1045	0.1096	0.1056	0.0983	0.1039	0.0944	0.1222	0.1239
8. <i>Serratia marcescens</i>	0.1147	0.1102	0.0972	0.0714	0.0768	0.0768	0.0796	0.0000	0.0872	0.0867	0.0878	0.0834	0.0861	0.0872	0.0972	0.0939	0.1113
9. <i>Citrobacter freundii</i>	0.1119	0.0983	0.0894	0.1051	0.1107	0.1170	0.1051	0.0872	0.0000	0.0275	0.0382	0.0326	0.0377	0.0356	0.0828	0.0917	0.1096
10. <i>Kluyvera ascorbata</i>	0.1073	0.0983	0.0905	0.1028	0.1073	0.1147	0.1045	0.0867	0.0275	0.0000	0.0382	0.0336	0.0387	0.0408	0.0845	0.0894	0.1124
11. <i>Enterobacter cloacae</i>	0.1073	0.0983	0.0878	0.1073	0.1147	0.1102	0.1096	0.0878	0.0382	0.0382	0.0000	0.0336	0.0392	0.0449	0.0828	0.0850	0.1056
12. <i>Leclercia adecarboxylata</i>	0.1085	0.0978	0.0889	0.1079	0.1130	0.1164	0.1056	0.0834	0.0326	0.0336	0.0336	0.0000	0.0413	0.0434	0.0823	0.0911	0.1113
13. <i>Klebsiella pneumoniae</i>	0.1017	0.0955	0.0807	0.1000	0.1045	0.1073	0.0983	0.0861	0.0377	0.0387	0.0392	0.0413	0.0000	0.0336	0.0823	0.0872	0.1062
14. <i>Escherichia coli</i>	0.1079	0.1006	0.0889	0.1006	0.1090	0.1153	0.1039	0.0872	0.0356	0.0408	0.0449	0.0434	0.0336	0.0000	0.0845	0.0905	0.1090
15. <i>Buttiauxella agrestis</i>	0.0894	0.0955	0.1051	0.0889	0.0972	0.1028	0.0944	0.0972	0.0828	0.0845	0.0828	0.0823	0.0823	0.0845	0.0000	0.1039	0.1216
16. <i>Hafnia alvei</i>	0.1297	0.1187	0.1023	0.1141	0.1147	0.1170	0.1222	0.0939	0.0917	0.0894	0.0850	0.0911	0.0872	0.0905	0.1039	0.0000	0.1245
17. <i>Plesiomonas shigelloides</i>	0.1332	0.1204	0.1222	0.1291	0.1274	0.1256	0.1239	0.1113	0.1096	0.1124	0.1056	0.1113	0.1062	0.1090	0.1216	0.1245	0.0000

35